

ZKO26

Target Position: exon 12

Sense Strand Sequence

CAGCTGCTCCTCGTCTGTCGTC TGCAGCGGTTCTGGCTCAGCGCAGTGCTCAGTTCTCCAGA
GAGCAGCTCCGCCAGCGAGCGCTGCAGCCGCGGGTGGAGAAGGT GGAGGTGCAGCTGCA
GGGGC CGGGTCTGCAGGGGACGCTGCTGGTGAACAGAGGCCTGTCTAC ACCATACAG
CTGCGCACG

Uppercase: Exon/coding sequence

Lowercase: intron/noncoding sequence

atcg : Forward/Reverse primer

atcg : cas9 target site

ZKO26a: 32bp deletion, 45bp insertion

CLUSTAL format alignment by MAFFT E-INS-i (v7.215)

```
WT          GCGCTGCAGCCGCGGGTGGAGAAGGTGGAG-----GTGCAGCTGCAGGGCCGGGT
ZKO26a      GCGCTGCAGCCGCGGGTGGAGAAGGTGGAGAAGGTGGAGGTGCAGCTGCAGGGCCGGGT
            *****
            *****

WT          CTGCAGGGGAC----GCTGCTGGTGAAC
ZKO26a      CTGCAGGGGACTGTCATGCTGGTGAAC
            *****          *****
```