

## ZKO406

Target Position: exon 2

Sense Strand Sequence

ATGCCAGACTCCGCCTTCTCTCCGCCAGTTCCACCAATCGCTGCTCTGAACTGTTCCCTGGACT  
TATCGAATTGTTCAATCACGAACCTCTCTGCGATTGCATATGGCGACGAGTGCTATGGCAGCCA  
CTCTTTGTTTGTATCATGGCTGTTGCCTACAGTGCTGTTGTACTGCTGGGTGTCATTGGAAAC  
CTGGCTCTCATCCTTGTGATCGCACGCCAGCGGGAGCTTACAATGTCACAAATGTCTTAATCG  
CAAACCTCTCGGTTTCAGACTTGCTGATGGCAGTGGTGTGTCTGCCCTTACCTTCATCTACAC  
CTTCATGGACCATTGGGTTTTTCGGTGGGTCATGTGTAAACTCAACAGCCTGGTTCAGTGCTG  
CTCCGTCTCAGTGTGATATTCTCCTTGGTTCTTATCGCCATTGAGAGACACCAACTCATCCTGC  
ACCCTCGTGGATGGAGGCCAGCCTGAACCACGCTTGCTGGGCATCAGCTTGAC

Uppercase: Exon/coding sequence

Lowercase: intron/noncoding sequence

atcg : Forward/Reverse primer

atcg : cas9 target site

### ZKO406a: 11bp deletion

CLUSTAL format alignment by MAFFT FFT-NS-i (v7.215)

```
WT          CACCTTCATCTACACCTTCATGGACCATTGGGTTTTTCGGTGCGGTCATGTGTAAACTCAA
ZKO406a     CACCTTCATCTACACCTTCATGGACCAT-----TGCGGTCATGTGTAAACTCAA
            *****
            *****

WT          CAGCCTGGTTC
ZKO406a     CAGCCTGGTTC
            *****
```