

ZKO488

Target Position: exon 1

Sense Strand Sequence

cgtatatatgcatcatttacggttagtttgagtcacacagtgagtaatagaggggtggttttagctcttggttgaagagtga
accgttatctccatctccaAAGAGGACCTTGATCGGATAAATATCCTGCAACAGTCAACAGAACTCA
CAATCTCAAGGGTACACCACACAGGTCCGACATGGGCTCGATCATGCATGTGGTTGCTTCCAT
TGTGCTGCTGTGCACATTAACATCAGCGtaagtgacagttattatattttattataaaacattataatgtctttt
tactcattttcttttctcccttatttatttaagcaaagaggagactactcacatcacatgattgtgcaaccctaagatggg
tttgaagtacaaattctttatgttttgattgttttaactaataaactctgtaacactttaattaatacaaaaggatgttcaa
atggaccatcaaaataatgccttacttattaatgccattaaagtattagtagactgtctgcctaaaggattgttcaaccaa
aaatacaaaattatgtcacatttactctcctctacttggtccaaatag

Uppercase: Exon/coding sequence

Lowercase: intron/noncoding sequence

atcg : Forward/Reverse primer

atcg : cas9 target site

ZKO488a: 4bp deletion

CLUSTAL format alignment by MAFFT G-INS-i (v7.215)

WT	ACACCACACAGGTCCGACATGGGCTCGATCATGCATGTGGTTGCTTCCATTGTGCTGCTG
ZKO488a	ACACCACACAGGTCCGACATGGGCTCGAT----CATGTGGTTGCTTCCATTGTGCTGCTG

WT	TGCA
ZKO488a	TGCA
